

СЕКЦИЈА ЗА ЗООНОЗЕ
СРПСКО ВЕТЕРИНАРСКО ДРУШТВО
ВЕТЕРИНАРСКИ СПЕЦИЈАЛИСТИЧКИ ИНСТИТУТ „ШАБАЦ“
ФАКУЛТЕТ ВЕТЕРИНАРСКЕ МЕДИЦИНЕ УНИВЕРЗИТЕТА У БЕОГРАДУ

**XXVI СИМПОЗИЈУМ
ЕПИЗООТИОЛОГА И ЕПИДЕМИОЛОГА
(XXVI Епизоотиолошки дани)**

**XXVI SYMPOSIUM OF EPIZOOTIOLOGIST
AND EPIDEMIOLOGIST**



**ЗБОРНИК
КРАТКИХ САДРЖАЈА
- BOOK OF ABSTRACTS -**



**Хотел "Royal Spa" – Бања Ковиљача
10 - 12. април 2024. год.**

Издавач / Publisher

Српско ветеринарско друштво / Serbian Veterinary Society
Секција за зоонозе / Section for Zoonoses
Београд / Belgrade

за Издавача / for the Publisher

Проф др Милорад Мириловић

Главни и одговорни уредник / Editor in Chief

Др Тамаш Петровић, научни саветник

Технички уредник / Technical Editor

Др Тамаш Петровић, научни саветник

Штампа / Printed

SAGITTARIUS D.O.O. Суботица

Година издања / Year: 2024

Тираж / Copies: 250 примерака

ISBN-978-86-83115-52-5

ПРВА МОЛЕКУЛАРНА ДЕТЕКЦИЈА ПОРЦИНЕ ЦИТОМЕГАЛОВИРУСА КОД ДИВЉИХ СВИЊА У СРБИЈИ

Немања Јездимировић^{1*}, Бранислав Курељушић¹, Божидар Савић¹,
Бојан Миловановић¹, Димитрије Глишић¹, Јелена Малетић¹, Софија Шолаја¹,
Весна Милићевић¹

¹ Научни институт за ветеринарство Србије, Београд, Србија

* Аутор за кореспонденцију: nemanja.jezdimirovic@nivs.rs

Кратак садржај

Дивље свиње могу бити резервоари различитих бактерија, вируса и паразита и могу се пренети на домаће свиње па и на људе индиректним или директним контактом. Порцине цитомегаловирус (ПЦМВ) препознат је као главни узрочник атрофичног ринитиса код свиња свих старосних категорија. Међународни комитет за таксономију вируса (ИТЦВ) је порцине цитомегаловирус сврстао у *suid betaherpesvirus 2* (SuBHV2), и припада подфамилији *Betaherpesvirinae* и фамилији *Herpesviridae*, али није сврстан ни у један род. Генетска истраживања су показала да је ПЦМВ генетски сроднији хуманим херпес вирусима (ХХВ) 6А, 6Б и 7. Поред тога, доказано је да ПЦМВ доприноси репродуктивним проблемима код крмача и резултира раним неонаталним губицима. Инфекција ПЦМВ-ом је раширена широм света и има високу преваленцију, посебно у земљама са интензивном производњом свиња. Клинички пролази непримећено због стеченог имунитета запата, и обично се јавља код млађих категорија животиња. Нажалост, сама болест и инфекција су углавном занемарени.

Како бисмо открили улогу дивљих свиња у епидемиологији ПЦМВ-а, користили смо реал-тима ПЦР тестирање 50 узорака (лимфни чвор, слезина и бубрег) пореклом од одстрелених дивљих свиња.

Испитивање је потврдило присуство генома ПЦМВ у 4/50 (8%) узорака. Ови резултати указују на релативно ниску али не и занемарљиву преваленцију вируса у популацији дивљих свиња, што може да представља значајан ризик и за популацију домаћих свиња.

Кључне речи: реал-тима ПЦР, ПЦМВ, дивља свиња

FIRST MOLECULAR DETECTION OF PORCINE CYTOMEGALOVIRUS IN WILD BOARS IN SERBIA

Nemanja Jezdimirović^{1*}, Branislav Kurelušić¹, Božidar Savić¹, Bojan Milovanović¹,
Dimitrije Glišić¹, Jelena Maletić¹, Sofija Šolaja¹, Vesna Milićević¹

¹ Scientific Institute of Veterinary Medicine of Serbia, Belgrade, Serbia

* Corresponding author: nemanja.jezdimirovic@nivs.rs

Summary

Wild boars can be reservoirs of various bacteria, viruses, and parasites and can be transmitted to domestic pigs and even humans through indirect or direct contact. Porcine cytomegalovirus (PCMV) is recognized as the main cause of atrophic rhinitis in pigs of all age categories. The International Committee on Taxonomy of Viruses (ICTV) has classified porcine cytomegalovirus into *suid betaherpesvirus 2* (SuBHV2), belonging to the subfamily *Betaherpesvirinae* and family *Herpesviridae*, but it is not classified into any genus. Genetic research has shown that PCMV is genetically closer to human herpes viruses (HHV) 6A, 6B, and 7. Additionally, it has been proven that PCMV contributes to reproductive problems in sows and results in early neonatal losses. PCMV infection is widespread worldwide and has a high prevalence, especially in countries with intensive pig production. Clinically, it often goes unnoticed due to acquired maternal immunity and usually occurs in younger animal categories. Unfortunately, the disease itself and the infection are largely neglected.

To discover the role of wild boars in PCMV epidemiology, we used real-time PCR testing of 50 samples (lymph nodes, spleen, and kidney) originating from shot wild boars.

Testing confirmed the presence of PCMV genome in 4 out of 50 (8%) samples. These results indicate a relatively low but not negligible prevalence of the virus in the wild boar population, which may pose a significant risk to the domestic pig population.

Key words: real-time PCR, PCMV, wild boar

CIP - Каталогизација у публикацији - Народна библиотека Србије,
Београд

636.09:616(048)

СИМПОЗИЈУМ епизоотиолога и епидемиолога (26 ; 2024 ; Бања Ковиљача)
Зборник кратких садржаја = Book of Abstracts / XXVI Симпозијум
епизоотиолога и епидемиолога (XXVI Епизоотиолошки дани), Бања
Ковиљача 10 - 12. април 2024. год. ; [главни и одговорни уредник
Тамаш Петровић];

[организатор] Секција за зоонозе, Српско ветеринарско друштво,
Ветеринарски специјалистички институт "Шабац", Факултет ветеринарске
медицине Универзитета у Београду. - Београд:

Српско ветеринарско друштво, Секција за зоонозе, 2024 (Суботица:
Sagittarius). - 197 стр. ; 24 cm

Кор. насл. - Тираж 250. - Апстракти упоредо на срп. и енгл. језику.

ISBN 978-86-83115-52-5

1. Секција за зоонозе СВД (Београд) 2. Ветеринарски специјалистички
институт "Шабац" (Шабац), 3. Факултет ветеринарске медицине
Универзитета у Београду (Београд).

а) Ветеринарска епизоотиологија - Апстракти

COBISS.SR-ID 141341705